

## PrimerArray®遺伝子リスト各項目の説明

### Well ID :

96 ウェルプレート上での位置情報です。

### Row :

プレート(PrimerArray)上の位置：行を A - H の記号で表示しています。

### Column :

プレート(PrimerArray)上の位置：列を 1 - 12 の番号で表示しています。

### Primer Set ID :

各プライマーセットに固有の ID です。

### GeneID :

NCBI Entrez Gene(旧 LocusLink に該当)の ID です。

### Symbol :

Entrez Gene に掲載された Official Symbol です。

### Description :

Entrez Gene に登録された遺伝子名です。

### Genbank Acc :

NCBI GenBank の accession number です。

### Gene size :

設計対象遺伝子の配列長です。

### Position :

PCR で増幅される領域のほぼ中心の遺伝子上での位置です。増幅領域はおよそ 100bp ですので、増幅領域の目安となります。

### Oligo dT、Random 6mers :

逆転写反応で推奨のプライマーを示しています。

#### Exon junction :

[増幅領域に含まれる exon-junction の数]/[対象遺伝子の全 exon-junction 数]を表示しています。対象遺伝子がゲノムに上手くマッピングできず、exon-junction の位置が決定できない場合には"nuknown"と表示されます。

#### Variants :

対象遺伝子以外に増幅する可能性のある transcript variant の Accession 番号を示しています。本システムでは対象遺伝子以外の遺伝子を増幅するプライマーはすべて除去されていますが、transcript variant を増幅する可能性のあるプライマーセットは残っています。

#### Variants cover ratio :

[増幅する可能性のある variant 数]/[全 variant 数]を表示しています。X/X はすべての Variant に共通のプライマー、1/X は検索遺伝子に特異的なプライマーとなります。RefSeq 登録遺伝子以外で対応が付けられた GenBank 登録遺伝子の accession を表示します。