

# イルミナ社NGS装置用RNA-seqライブラリー調製キット

## SMARTer® Stranded Total RNA Sample Prep Kit - HI Mammalian

### 大幅プライスダウンしました！

(2018年4月1日価格改定)

RNA-seqを少しでも安く。その思いを込めて価格を約**30%OFF**！！

SMARTer® Stranded Total RNA Sample Prep Kit - HI Mammalianは、total RNAからイルミナ社次世代シーケンサー(NGS)用RNA-seqライブラリーを調製するキットです。このたび、RNA-seqのコストダウンに少しでも貢献できるよう、**約30%プライスダウン**しました。本キットは価格以外にも多くのメリットがありますので、この機会にぜひお使いください！



#### ★ 驚きの新価格

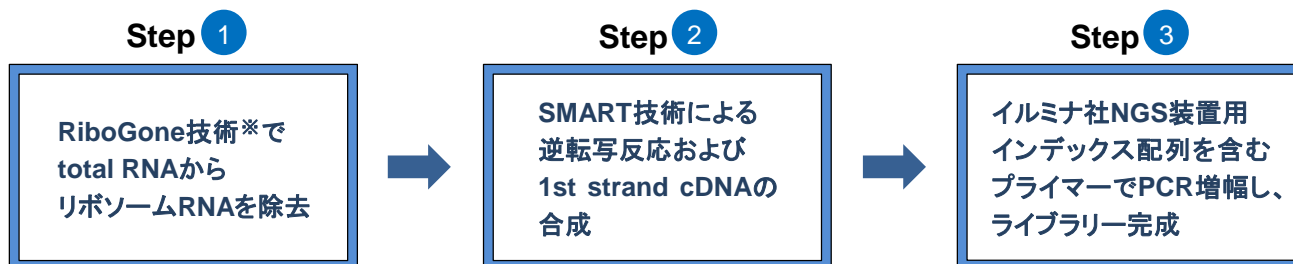
製品名	容量	製品コード	旧価格(税別)	新価格(税別)
SMARTer® Stranded Total RNA Sample Prep Kit - HI Mammalian	12回	634873	¥280,000	<b>¥192,000</b>
	24回	634874	¥480,000	<b>¥325,000</b>
	48回	634875	¥820,000	<b>¥600,000</b>
	96回	634876	¥1,400,000	<b>¥1,050,000</b>
	192回	634877	¥2,300,000	<b>¥1,660,000</b>
	480回	634878	¥4,600,000	<b>¥3,300,000</b>

・インデックスの種類は12回、24回は12種類、48回は48種類、96回、192回、480回は96種類です。

#### ★ “使わない理由がない” メリットの数々 (※本キットはヒト、マウス、ラット用です)

- ✓ ゲノムマッピング率や再現性・相関性の高い良質なデータを取得 (裏面参照)
- ✓ リボソームRNA除去試薬やインデックスアダプターを含んで、この価格
- ✓ 初発のtotal RNA量は100 ng~1 µgをカバー。微量から多量まで同一キットでOK！
- ✓ 分解を受けた品質の良くないRNA (FFPEサンプルなど)にも対応可能
- ✓ 2nd strand DNA合成不要、End Repair処理不要で操作の負担を軽減

#### ★ シンプルなプロトコールで操作ストレスを軽減



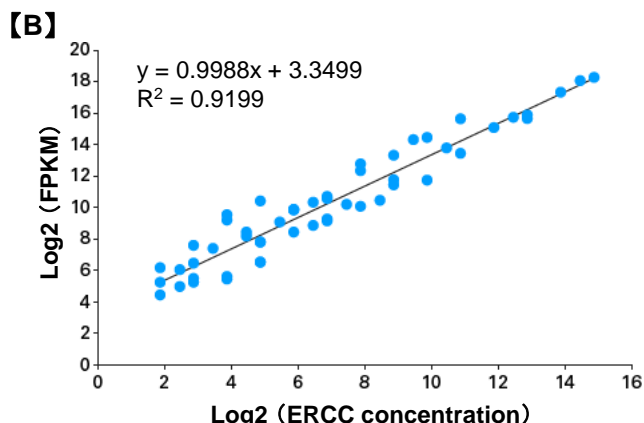
※プローブハイブリダイゼーションとRNase HIにより、リボソームRNAを分解します。

裏面で解析例をご紹介します。ぜひご覧ください ▶▶

## ■ 解析例①: 解析データのクオリティおよび相関性の確認

400 ngのHuman Universal Reference RNA (HURR; Agilent) および Human Brain Reference RNA (HBRR; Thermo Fisher Scientific) に ERCC Spike-In RNA Mix (Thermo Fisher Scientific) を添加して本キットでライブラリーを調製し、イルミナ社次世代シーケンサーで解析した。

RNA source	HURR	HBRR
Input amount (ng)	400	
Number of reads (millions)	8.5 (paired end reads)	
Number of genes identified	17,570	17,600
Proportion of reads (%)		
rRNA	0.3	5.3
Mapped to genome	94	88
Exonic	43	50
Intronic	43	33
Intergenic	14	12



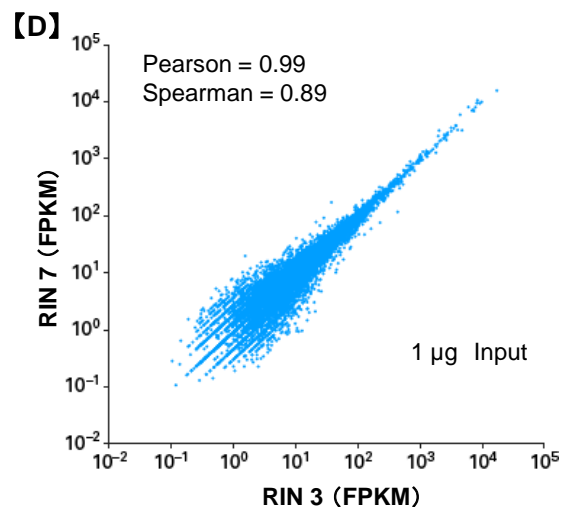
【A】リボソームRNA由来のリード数の割合は低く(0.3 - 5.3%)、ゲノムへの高いマッピング率を示し(88 - 94%)、高品質なシーケンズデータを取得できた。

【B】ERCCの濃度と次世代シーケンサーによる発現量 (FPKM) は高い相関性を示した。

## ■ 解析例②: 低品質および高品質RNAからの解析結果比較

RIN (RNA Integrity Number) 値が3または7になるように化学的に切断したマウス肝臓RNA 100 ngおよび1 μgから本キットを使用してライブラリーを調製し、イルミナ社次世代シーケンサーで解析した。

RNA source	Mouse Liver			
	RIN 3		RIN 7	
RNA quality	RIN 3		RIN 7	
Input amount	100 ng	1 μg	100 ng	1 μg
Number of reads (millions)	1.7 (paired end reads)			
Number of genes identified	12,079	12,172	12,099	12,212
Proportion of reads (%)				
rRNA	2	2	1	1
Mapped to genome	82	86	81	88
Exonic	55	53	54	54
Intronic	32	31	33	32
Intergenic	12	14	12	13



【C】RIN値に関わらずゲノムへの高いマッピング率を示し(81 - 88%)、リボソームRNA由来のリード数の割合も低かった。いずれのサンプルからも高品質なシーケンズデータを取得できた。

【D】RIN値の異なるサンプル間における発現量 (FPKM) は高い相関性を示し、サンプルの品質に関わらず高品質なシーケンズデータを取得できた。

**本キットを使用することで、低コストかつ信頼性の高いRNA-seq解析が可能です。ぜひお試しください！**

・本チラシで紹介した製品はすべて研究用として販売しております。ヒト、動物への医療、臨床診断用には使用しないようご注意ください。また、食品、化粧品、家庭用品等として使用しないでください。・タカラバイオの承認を得ずに製品の再販・譲渡、再販・譲渡のための改変、商用製品の製造に使用することは禁止されています。  
 ・本チラシに記載された社名および製品名は、特に記載がなくても各社の商標または登録商標です。・ライセンス情報については弊社ウェブサイトにてご確認ください。  
 ・本チラシ記載の価格は2018年4月1日現在の希望小売価格です。価格に消費税は含まれておりません。

2018年4月作成G

## タカラバイオ株式会社

東京支店 TEL 03-3271-8553 FAX 03-3271-7282  
 関西支店 TEL 077-565-6969 FAX 077-565-6995  
 テクニカルサポートライン  
 TEL 077-565-6999 FAX 077-565-6995  
 Website <http://www.takara-bio.co.jp>  
 Facebook <http://www.facebook.com/takarabio.jp>

取扱店