

微量RNA、分解RNAの解析はタカラバイオにお任せください！

SMART-Seq解析受託サービス

RNA量が多くても、少なくても信頼性の高い解析が可能！

SMART-Seq® v4 Ultra® Low Input Kit for Sequencingを用いた遺伝子発現解析



<SMART-Seq® v4 Kitの特長>

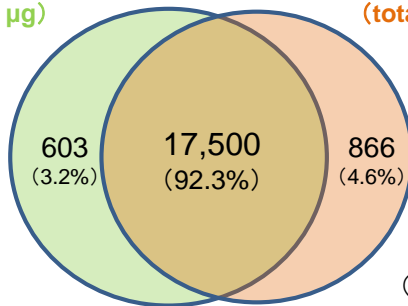
- ✓ oligo dTプライマーを用いた逆転写
- ✓ pgオーダーのRNAからでも解析可能！
 - ・シングルセル
 - ・微量組織
 - ・ソーティング少数細胞



★ 一般的なRNA-SeqのTruSeq Stranded mRNA Kit (イルミナ社)とSMART-Seq® v4 Kitの発現比較

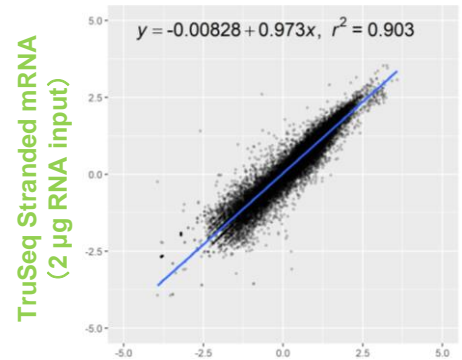
TruSeq Stranded mRNA
(total RNA: 2 µg)

SMART-Seq® v4
(total RNA: 10 ng)



(タカラバイオ取得データ)

Total = 18,969 genes (FPKM > 0.1)
Universal Human Reference RNA



SMART-Seq® v4
(10 ng RNA input)

検出遺伝子数と発現値において高い相関を示す！

★ 受入サンプル

	サンプル量	液量
total RNA	50 ng 以上	25 µl 以上
cDNA ※1	5 ng 程度	10 µl 以上
細胞・組織	別途ご相談ください	

※1 : SMART-Seq v4 Kit / SMART-Seq HT Kit / SMART-Seq Single Cell Kit のいずれかで増幅したcDNAが対象です。

- ・ total RNAの純度は、OD260/280、OD260/230は1.6以上が目安です。
- ・ RNAサンプルは、RNase free水に溶解してください。
- ・ サンプル調製時にエタノール沈殿を実施する場合は、共沈剤としてグリコーゲンを添加しないでください。
- ・ total RNAが50 ng以下の場合でも作業可能です。お問い合わせください。

★ 価格・納期

受入サンプル	納品物	データ量(目安)	価格(税別)	納期
cDNA	作業報告書、Fastqファイル、遺伝子発現解析結果 ※2	4,000万リード/検体	2検体 : ¥220,000 6検体 : ¥400,000 8検体 : ¥450,000 16検体 : ¥650,000	2週間~ 短納期対応
total RNA			2検体 : ¥240,000 6検体 : ¥460,000 8検体 : ¥530,000 16検体 : ¥810,000	

※2 : 生物種がヒト・マウスの場合、発現解析結果付きで納品します(BAMファイル無し)。
ヒト・マウス以外の生物種またはBAMファイルが必要な場合は、別途情報解析費用が必要です。

FFPEサンプルなどの分解RNAからもRNA-Seq解析が可能！

SMART-Seq® Stranded Kit を用いた遺伝子発現解析

<SMART-Seq® Stranded Kitの特長>

- ✓ ランダムプライマーを用いた逆転写
- ✓ 様々なRNAサンプルから解析可能

- ✓ 方向性情報をもった解析

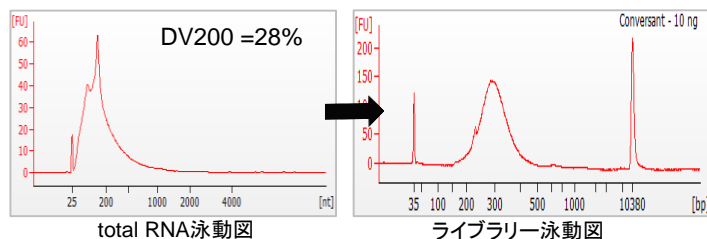
- ・ロングノンコーディングRNA
- ・pgオーダーのRNA

- ・分解RNA
- ・シングルセル

- ・FFPE / LCM由来RNA

※ 対象生物種はヒト、マウス、ラット

★ 分解RNAとライブラリーの泳動図



分解が進行したRNA検体でもライブラリー作製が可能

★ 受入サンプル

	サンプル量	液量
total RNA	50 ng 以上	17 µl 以上

- ・total RNAが50 ng以下の場合でも作業可能です。お問い合わせください。
- ・RNAサンプルは、RNase free水に溶解してください。
- ・サンプル調製時にエタノール沈殿を実施する場合は、共沈剤としてグリコーゲンを追加しないでください。

★ 価格・納期

※遺伝子発現解析結果は、別途情報解析費用が必要です。

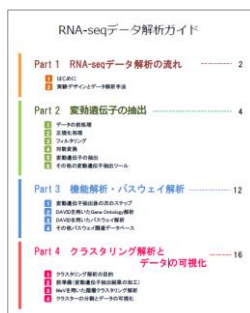
納品物	データ量(目安)	価格(税別)	納期
作業報告書、Fastqファイル	6.6億リードノース式	2検体：¥314,000 6検体：¥442,000 8検体：¥506,000	1.5か月～

納品物例 (遺伝子発現解析結果)

Gene ID	発現量(TPM,Count)				ゲノム位置情報				アノテーション情報*		
	SampleA. TPM	SampleB. TPM	SampleA. count	SampleB. count	Chromosome	Start	End	Gene Length	Strand	Gene Name	Gene Type
ENSG00000284662.1	0.03	0	0.67	0	chr1	685679	686673	995	-	OR4F16	Protein_coding
ENSG00000187634.12	12.364	1.974	309	39	chr1	923928	944581	2557	+	SAMD11	Protein_coding

* アノテーション情報には以下が含まれます。

- Gene Name
- Gene Type
- 各ID (Entrez Gene ID, Transcript ID)
- Description
- Gene Ontology情報
- パスウェイ情報



解析に便利なデータ解析ガイド付き

初めてRNA-Seqデータを見る方もExcelやフリーツールで以下の解析が可能です。

- ✓ フィルタリング
- ✓ 階層クラスタリング
- ✓ 比較解析
- ✓ 統計検定
- ✓ Gene Ontology解析
- ✓ パスウェイ解析

・本チラシに記載された社名および製品名は、特に記載がなくても各社の商標または登録商標です。
・本チラシ記載の価格は2020年9月1日現在の希望小売価格です。価格に消費税は含まれておりません。

・ライセンス情報については弊社ウェブサイトにてご確認ください。

2020年9月作成G

タカラバイオ株式会社

■ 受託サービスに関するお問い合わせ

滋賀県草津市野路東七丁目4番38号 〒525-0058
TEL 077-565-6999

Website <https://catalog.takara-bio.co.jp/jutaku/>

取扱店