

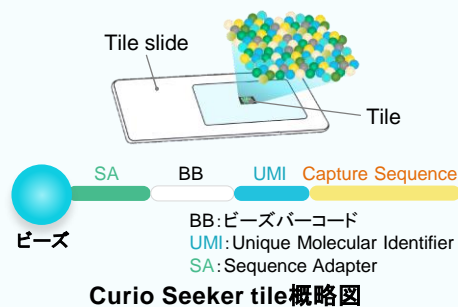
専用装置不要!

# 全トランスクリプトーム空間解析用試薬 Curio Seeker Spatial Transcriptomics Kit

## ● 製品の特長

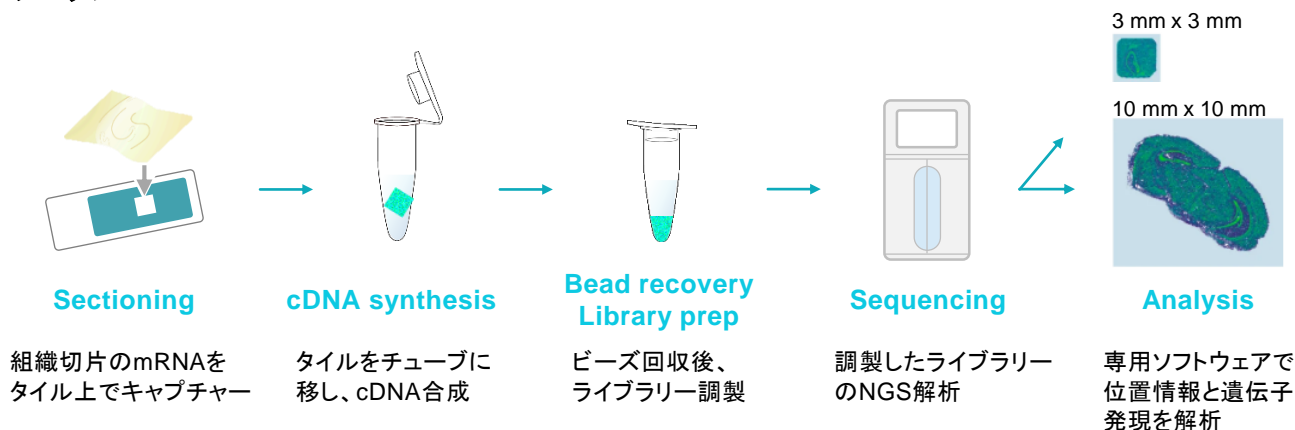
- ・直径10 μmのビーズがスライド上に隙間なく配置
- ・各ビーズは位置情報を示す固有のDNAバーコードを持つ

組織をスライドに貼り付け解析することで、  
形態学的位置情報を保持したまま遺伝子発現解析が可能



- ✓ 凍結組織からの全トランスクリプトーム空間解析
- ✓ DNAバーコード付きのビーズでmRNAをキャプチャー
- ✓ 1細胞に近い解像度で、全ての遺伝子が解析対象
- ✓ NGS以外の専用装置やプローブセット不要

## ● ワークフロー



## ● タイルサイズは10 mm x 10 mm、3 mm x 3 mmの2種類をご用意

製品名	容量	製品コード	価格
Seeker 10x10 Bundle	4回	SK003	お問い合わせください
Seeker 3x3 Bundle V1.1	8回	SK004	
Seeker Dual Indexing Primer Kit v2	1 Kit	K006	

★ 本製品を用いた空間解析サービス、シーケンス解析を弊社で承ります ★

詳細はこちら▼

情報解析および統計解析までをサポート可能です。お気軽にお問い合わせください!

TEL: 077-565-6999 Website: <https://catalog.takara-bio.co.jp/jutaku/>



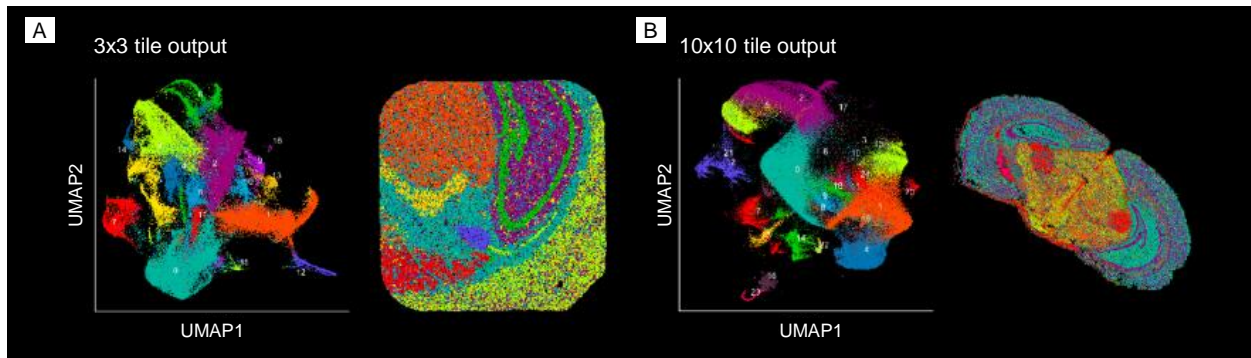
# Curio Seeker

## ● 効率化されたバイオインフォマティクスパイプラインのワークフロー

Curio Seekerバイオインフォマティクスパイプラインは、Curio Seekerで調製したライブラリーから生成されたfastqファイルをもとに、位置情報と遺伝子発現を解析します。



## ● 高解像度空間発現マップ



Curio Seekerの解析結果には、クラスタリング結果、UMAP(次元削減)結果、空間マップ(上図A: マウス海馬、3 mm x 3 mmタイル、B: マウス全脳、10 mm x 10 mmタイル)等が含まれます。

	Seeker 3x3 Bundle V1.1	Seeker 10x10 Bundle
製品コード	SK004	SK003
用途	全トランスクリプトーム空間解析	
価格	お問い合わせください	
解像度	10 $\mu$ m	
サンプルタイプ	新鮮凍結組織(Fresh frozen)	
インデックスプライマー	Seeker Dual Indexing Primer Kit v2 (製品コード K006)	
解析ソフトウェア	Curio Seeker bioinformatics pipeline	
タイルサイズ	3 mm x 3 mm	10 mm x 10 mm
所要時間/ハンズオンタイム	8時間/2.5時間	8.5時間/3時間
推奨シーケンス量 ※	2~6億リードペア	10~30億リードペア

※ 推奨シーケンス量は組織種に依存します。

・本チラシで紹介した製品はすべて研究用として販売しております。ヒト、動物への医療、臨床診断用には使用しないようご注意ください。また、食品、化粧品、家庭用品等として使用しないでください。  
 ・タカラバイオの承認を得ずに製品の再販・譲渡、再販・譲渡のための改変、商用製品の製造に使用することは禁止されています。  
 ・ライセンスなどに関する最新の情報は弊社ウェブサイトをご覧ください。  
 ・本チラシに記載されている会社名および商品名などは、各社の商号、または登録済みもしくは未登録の商標であり、これらは各所有者に帰属します。

2025年3月作成G

## タカラバイオ株式会社

営業部(東京) TEL 03-3271-8553 FAX 03-3271-7282  
 営業部(本社) TEL 077-565-6969 FAX 077-565-6995  
 テクニカルサポートライン TEL 077-565-6999 FAX 077-565-6995  
 Website <https://www.takara-bio.co.jp>  
 公式X @Takara\_Bio\_JP / [https://x.com/Takara\\_Bio\\_JP](https://x.com/Takara_Bio_JP)

取扱店