

cfDNAにも対応可能な高感度DNA変異解析

お試しキャンペーンのご案内

QIAseq Targeted DNA Panels **Human Actionable Solid Tumor Panel**

キャンペーン期間：～ 2017年10月31日(火)ご依頼分まで

cfDNAや腫瘍組織中のがん関連遺伝子変異を高感度かつ幅広く検出できる、分子バーコード技術を採用した「QIAseq Targeted DNA Panels」をリーズナブルにお試しいただけるチャンスです！！

Human Actionable Solid Tumor Panelの特長

- 分子バーコード技術とディープシーケンスにより、低頻度な体細胞変異解析を実現
- cfDNAなどの超微量核酸からがん遺伝子変異を高感度に検出可能
- 偽陽性変異を軽減した特異性の高い変異検出能（特異度：99.8%）
- がん変異のMAF（アレル頻度）の定量が可能

キャンペーン内容

キャンペーン価格： **900,000 円** / 4検体一式^{※1}（税別）

- 先着**3名様**まで
- 解析サンプルは**cfDNA解析用血漿検体** および**FFPE検体** ^{※2}
- 臨床検体からの**核酸抽出** および**遺伝子変異解析**を含む
- シーケンスの仕様
 - 分子バーコードのデプス500以上（cfDNAまたはFFPE由来DNA検体の場合）
 - 分子バーコードのデプス1,000以上（凍結腫瘍組織由来DNAの場合）
- 納期：2017年12月末頃

注：解析サンプルを10月末までに必ずご送付ください。なお、納期指定には対応いたしかねますので、あらかじめご了承ください。

※1： 5検体以上、もしくは3検体以下の検体数の場合は別途お問い合わせください。

※2： その他の検体についてはお問い合わせください。

応用例

- ・ 同一症例の原発巣FFPE vs 再発・転移巣FFPE、血漿中cfDNA（治療前・PD時等）計4検体での評価
- ・ 遺伝子変異既知の転移巣FFPEと同じ採取ポイントの血漿中cfDNA 4症例 計4検体での比較

本サービスは研究用受託サービスです。診断目的には適用できません。

パネル情報・解析サンプル・納品物の仕様等は裏面をご覧ください。

※表示価格はすべて税別です。

that's
GOOD
science!

Human Actionable Solid Tumor Panel 変異解析の主な仕様

パネル情報

カバーする領域	ターゲット遺伝子
エクソン領域	<i>BRAF, PDGFRA, EGFR, KRAS, NRAS, KIT</i>
CDS領域	<i>ERBB2, PIK3CA, TP53</i>
ホットスポットターゲット	<i>AKT1, ALK, CTNNB1, ERBB3, ESR1, FOXL2, GNA11, GNAQ, IDH1, IDH2, MET, RAF1, RET</i>

【シーケンス解析の主な条件】 HiSeq 150 bp 両末端解析で、平均分子バーコードのデプス > 600を目標値とする

解析サンプル

- ホルマリン固定パラフィン包埋 (FFPE) 試料 (※1)
- 血漿検体 (cfDNA) 5 ml 以上 (※2)

※1: ・ブロック検体はお受けできません。必ず薄切した検体でご依頼ください。
・薄切された切片または未染色スライド標本 (7 μm厚・10枚推奨) にてご依頼ください。

※2: ・採血にはEDTA-2K採血管をご利用ください。
・必ず血漿検体でご依頼ください。

検査仕様ならびに解析サンプルの詳細は弊社ウェブサイトをご覧ください。

納品物

- 作業報告書
- シーケンスデータ一式
- 変異候補の抽出結果、マッピング結果等

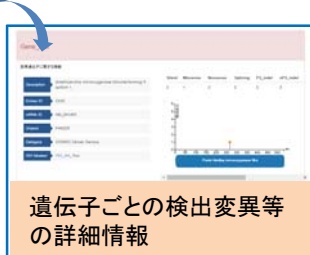
【変異結果一覧 (Excel 形式)】

Gene_Name	CHROM	POS	ID	REF	ALT	Mutation_Type	QUAL	FILTER	HGVD	EXAC_AF	EXAC_AF_EAS	Clin_Id	Clin_Sig
NRAS	chr1	115256530	COSM580:rs121913254	G	T	SNP	53	PASS	NA	-	-	83949	Pathogenic
NRAS	chr1	115256536	COSM578:rs730880965	C	T	SNP	51	PASS	NA	-	-	48943	Likely pathogenic
KRAS	chr12	25308284	COSM118:rs121913254	G	T	SNP	50	PASS	NA	1.67289e-05	-	0	Pathogenic
PIK3CA	chr3												

Eigen_PC	Eigen_PC_phred	FATHMM_score	FATHMM_Pred	UniprotID	Annotation	Annotation_Impact	Feature_ID	HGVS.c	HGVS.p	DP	UMI	VMT	VMF	GT
0.900821	13.78706	-1.73	D	P01111	missense_variant	MODERATE	NM_002524	c.181C>A	p.Gln61Lys	20924	682	12	0.0176	0/1
0.829004	11.03868	-2.42	D	P01111	missense_variant	MODERATE	NM_002524	c.175G>A	p.Ala59Thr	20506	676	11	0.0163	0/1
0.660496	7.073244	-1.19	T	P01116	missense_variant	MODERATE	NM_033360	c.35G>A	p.Gly12Asp	13309	578	12	0.0208	0/1
0.775377	9.433482	-0.03	T	P42336	missense_variant	MODERATE	NM_006218	c.1633G>	p.Glu545Lys	23018	706	15	0.0212	0/1

【変異の詳細情報 (HTML 形式)】

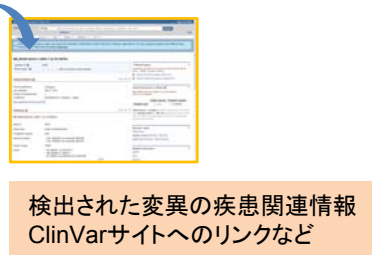
解析結果をわかりやすく閲覧いただけます！



遺伝子ごとの検出変異等の詳細情報



検体ごとのリード冗長度 (デプス) を棒グラフで表示



検出された変異の疾患関連情報 ClinVarサイトへのリンクなど

コントロール検体 (Horizon社 Multiplex I cfDNA Reference Standard Set) を用いて社内評価済み！

社内評価データ

- MAF 1.0% における検出感度: 87.5% - MAF 0.7% における検出感度: 62.5%

※本チラシに記載された社名および製品名は、特に記載がなくても各社の商標または登録商標です。 2017年9月作成N

受託内容の詳細は弊社ウェブサイト「受託サービス一覧」をご覧ください。

<http://catalog.takara-bio.co.jp/jutaku/> ▶ 遺伝子検査支援 | 臨床検査、治験支援 > がん遺伝子解析

タカラバイオ株式会社

■ 受託サービスに関するお問い合わせ
滋賀県草津市野路東七丁目4番38号 〒525-0058
TEL 077-565-6999

Website <http://catalog.takara-bio.co.jp/jutaku/>

取扱店