

# ChIP-seq / ATAC-seq

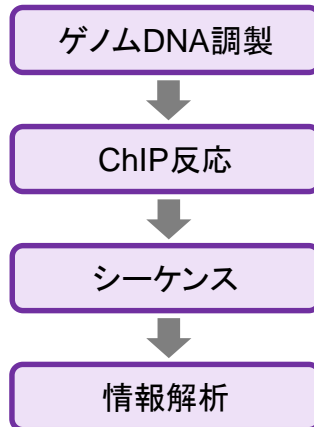
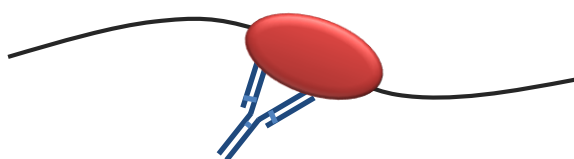
## 解析受託キャンペーン

that's  
**GOOD**  
science!

キャンペーン期間：2017年8月21日(月)～11月30日(木) ご依頼分まで

### クロマチン免疫沈降サンプルの解析(ChIP-seq解析)受託

- ★ 煩雑で時間のかかるChIP反応を、経験豊富なActive Motif社で作業します。
- ★ バリデーション済み抗体を多数ご用意。市販抗体のバリデーション作業も可能です。



組織サンプルや脂肪細胞などの場合は、5万円(税別)の追加費用が必要です。

抗体のバリデーション作業が必要な場合、有償にて対応可能です。

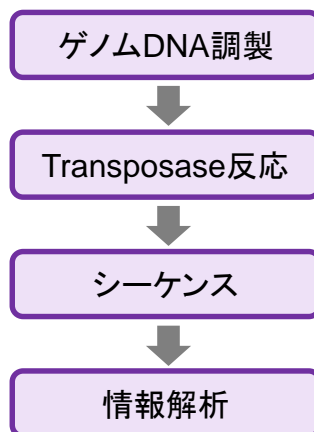
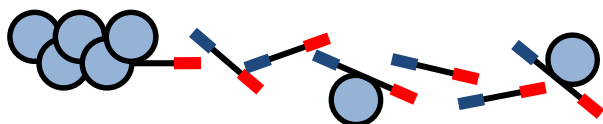
Inputデータはノイズ除去に利用します。2検体以上の場合は、比較解析が可能です。

1検体解析(input含む)： **¥ 850,000** (税別)

2検体解析(input含む)： **¥ 1,350,000** (税別)

### ATAC-seq解析受託

- ★ エピジェネティクス研究のスクリーニングに最適
- ★ Transposomeを利用した、オープンクロマチン領域の網羅的解析



培養細胞からのゲノムDNA調製のみ対応可能です。

イルミナシーケンサーで、3,000万リード以上を取得します。

モチーフ解析により、転写因子の推定が可能です。

2検体解析： **¥ 640,000** (税別)

2群(N=2、4検体)解析： **¥ 1,200,000** (税別)

◆ タカラバイオのATAC-seq解析受託によりターゲット転写因子が推定され、さらにその転写因子のChIP-seq解析をご依頼いただく場合、2017年12月22日ご依頼分まで上記キャンペーン価格で承ります。

## 納品データ

シーケンス結果からMACSまたはSICERでピークコール、アノテーションを行います。ChIP-seqでは、Inputデータを使用してバックグラウンドピークの除去を行います。

### 【納品物】

- 作業報告書
- シーケンスデータ形式
- ピークコール・アノテーション結果
- Viewer閲覧用ファイル

### ピークコール・アノテーション結果

Active Region	Chromosome	Start	End	Length	Interval Count	sample1 Avg Value	sample2 Avg Value	sample1 Peak Value	sample2 Peak Value
1	1	712,400	715,599	3,199	3	10.548	14.776	51	51
2	1	761,200	763,199	1,999	2	9.167	7.432	29	29
3	1	839,684	843,599	3,915	2	5.284	5.516	22	22

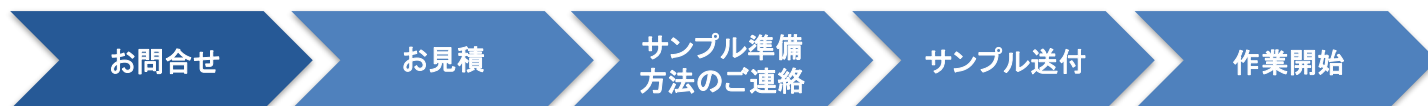
CGIsland Count	Promoter Count	Gene Count	Gene List	Distance to Start	Position	UCSC Link	sample Present
1	2	2	LOC100288069, I69, -7321	in gene, upstream	ActReg chr1		
1	3	4	EAM87B, NCRN, 9448, 703	- downstream in gene	ActReg chr1		

Rank	Motif	P-value	log P-value	% of Targets	% of Background	STD(BG STD)	Best Match/D
1		1e-475	-1.096e+03	56.17%	6.41%	51.7bp (73.1bp)	Fra1(bZIP)/B/Homer(0.99)
2		1e-46	-1.061e+02	12.66%	3.23%	50.0bp (65.1bp)	PU.1(ETS)/T/Homer(0.82)
3		1e-27	-6.318e+01	9.42%	2.86%	53.0bp (66.8bp)	MA0077.1 SC like subclass
4		4.428e+01	5.386e+01	18.02%	8.84%	52.0bp (65.0bp)	MF0006.1 hZ like subclass
5		4.428e+01	8.12%	2.85%	53.1bp (60.6bp)	Klf4(Zf)/mES/Homer(0.83)	

検出したピーク領域からMotif配列を抽出

## ＜ご依頼までの流れ＞



解析内容の詳細(サンプル種、抗体種、検体数など)を確認させていただき、お見積書を作成します。解析内容によっては、Spike-in(有償)によるノーマライズ作業が推奨される場合があります。お問い合わせは、弊社ウェブサイトの「各種受託サービスお問い合わせ」フォームをご利用ください。

## ＜受入サンプル＞

### ★ クロマチン免疫沈降サンプルの解析(ChIP-seq解析)

サンプル	サンプル量	サンプルの処理方法
培養細胞	1 × 10 <sup>7</sup> 細胞 以上	指定の固定方法(別途ご連絡)で処理してください。 ※メチル化解析用の培養細胞は固定化不要(凍結後-80℃保存)
組織 (B細胞・T細胞含む)	200 mg 以上	液体窒素で凍結後、-80℃で保存してください。 ※FFPEサンプルも対応可能(詳細はご相談ください)

### ★ ATAC-seq解析

サンプル	サンプル量	サンプルの処理方法
培養細胞	1 × 10 <sup>5</sup> 細胞 以上	細胞ペレットを5%DMSO存在下で緩慢凍結してください。 (凍結方法は別途ご連絡) ※固定化は不要 ※血球系の細胞も対応可能

※本チラシに記載された社名および製品名は、特に記載がなくても各社の商標または登録商標です。 ※表示価格はすべて税別です。 2017年8月作成G

## タカラバイオ株式会社

■ 受託サービスに関するお問い合わせ  
滋賀県草津市野路東七丁目4番38号 〒525-0058  
TEL 077-565-6999

Website <http://catalog.takara-bio.co.jp/jutaku/>

取扱店