

免疫沈降作業からデータ解析までフルパッケージで対応可能！

エピジェネティクス研究の強力なツール

# ChIP-seq解析サービス

that's  
GOOD  
science!

- ◆ 煩雑で時間のかかるChIP反応の作業を、経験豊富なActive Motif社で代行
- ◆ 転写因子・ヒストン修飾を中心に200種以上の推奨抗体を用意
- ◆ ChIP産物からのシーケンスにも対応可能



## 対応メニュー例

### ヒストン修飾に対するChIP-seq

- 約20種類のヒストン修飾に対するChIP作業プロトコルを保有
- 微量細胞数(10<sup>4</sup>細胞以上)での対応可能
- スパイクイン添加でシーケンスピークを標準化し、とらえにくいピークを検出
- インプットサンプルのChIP-seqも同時に実施

【価格】 **105.5万円 (税別) ~**

### 転写因子に対するChIP-seq

- 約200種類の転写因子に対するChIP作業プロトコルを保有
- 持込抗体は、抗体バリデーションによりChIP-seqの適正を判断
- 微量細胞数(10<sup>5</sup>細胞以上)での対応可能
- インプットサンプルのChIP-seqも同時に実施

【価格】 **105.5万円 (税別) ~**

### タグ配列等に対するChIP-seq

- Flagなどのタグ配列に対するChIP作業プロトコルを保有
- RNA Polymerase II に対するChIP-seqで転写時期・転写領域の確認が可能

【価格】 **105.5万円 (税別) ~**

### メチル化Cに対するChIP-seq

- 抗5-methylcytosine (5mC) 抗体、または、抗5-hydroxymethylcytosine (5hmC) 抗体を用いた対応が可能

【価格】 お問い合わせください。

### ChIP-seqライブラリー作製

- 煩雑なChIP反応の作業を代行
- 研究時間の大幅削減が可能
- イルミナ社シーケンサーに対応するライブラリー溶液を納品

【価格】 **47万円 (税別) ~**

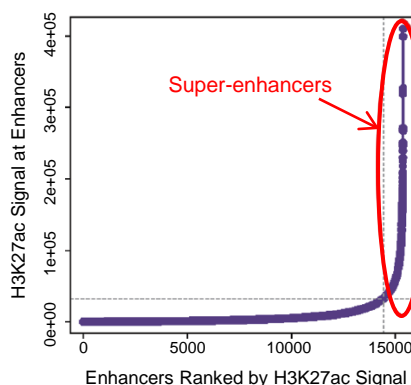
### ChIP-seq産物のシーケンス

- ChIP産物の受け入れも可能
- イルミナ社シーケンサーでシーケンス
- ピークコールなどの情報解析にも対応

【価格】 お問い合わせください。

### Super-Enhancerプロファイル解析

- 最近話題のSuper-Enhancer領域の解析
- H3K27Ac、BRD4に加えて、H3K4me1、MED1、SOX2、OCT4、NANOG等の対応が可能
- ROSEアルゴリズムを用いたSuper-Enhancer検出




【価格】 お問い合わせください。

# ChIP-seq解析サービス

## 【受入サンプル】


### ● ChIP反応からご依頼の場合

ご提供いただくもの	量 (※1)	処理方法
培養細胞 	微量: 10 <sup>4</sup> 細胞以上 通常: 10 <sup>7</sup> 細胞以上	指定の固定化方法にて処理いただきます。(※2) ご準備いただける細胞数が少ない場合は微量対応が可能です。
組織 (B細胞・T細胞含む)	200 mg以上	液体窒素で凍結後、-80℃保存した組織

※1: 作業によって最少提供量は異なります。詳細はご相談ください。 ※2: 固定化方法は別途ご連絡いたします。

### ● Active Motif社に推奨抗体が無い場合

推奨抗体が無い場合は、市販抗体をご指定いただくか、お客様にて抗体をご準備いただきます。

ご提供いただくもの	量
抗体 	10 µg以上

【注】  
抗体の保存温度はそれぞれ異なりますので、ご提供時の輸送温度にご注意ください。

### ● シーケンスからご依頼の場合

ご提供いただくもの	量
ChIP産物	50 ng以上 (10 µl 程度)

【注】  
・滅菌水またはReduced EDTA TE bufferに溶解してください。  
・200~600 bpのChIP産物を推奨いたします。  
・有機溶媒の混入は避けてください。

## 【納品物について】 作業報告書と共に以下のデータを納品いたします。

### シーケンスデータ

イルミナ社シーケンサーを用いてシーケンスし、fastqファイル形式で納品いたします。

- ・50~100 base長 シングルエンドシーケンス
- ・2,500~5,000万リード/検体

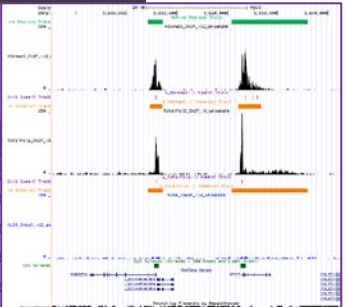
### ピークコール・アノテーション結果、Viewer閲覧用ファイル

ピークコール・アノテーション結果をExcelリストとして納品いたします。  
リストにはUCSC Genome Browser等へのリンクを付加しており、マッピング状態を閲覧可能です。

Active Region	Chromosome	Start	End	Length	Interval Count	sample1 Avg Value	sample2 Avg Value	sample1 Peak Value	sample2 Peak Value
1	1	712,400	715,599	3,199	3	10.548	14.776	51	
2	1	761,200	763,199	1,999	2	9.167	7.432	29	
3	1	839,684	843,599	3,915	2	5.284	5.516	22	
4	1	858,736	860,787	2,051	1	9.266	3.839	27	

CGIsland Count	Promoter Count	Gene Count	Gene List	Distance to Start	Position	UCSC
1	2	2	LOC100288069	169, -7321	in gene, upstream	ActR
1	3	4	FAM87B, NCRN	9448, 703, -	downstream, in gen	ActR
1	1	2	LOC284600, FLJ	-5174, 1317	upstream, downstre	ActR
1	2	3	LOC284600, FLJ	12946, -494	downstream, upstre	ActR



受託内容の詳細は弊社ウェブサイト「受託サービス一覧」をご覧ください

受託サービス > 遺伝子工学研究支援 | エピジェネティクス関連受託 > クロマチン免疫沈降サンプルの解析 (ChIP-seq)

※本チラシに記載された社名および製品名は、特に記載がなくても各社の商標または登録商標です。 2015年9月作成G

## タカラバイオ株式会社

■ 受託サービスに関するお問い合わせ

滋賀県草津市野路東七丁目4番38号 〒525-0058  
TEL 077-565-6999

Website <http://www.takara-bio.co.jp>

取扱店