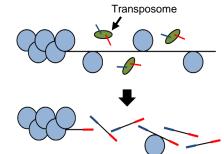
ATAC-Seq解析サービス



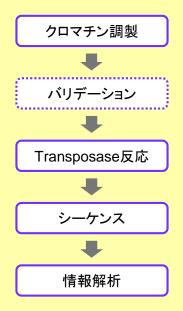
オープンクロマチン領域の網羅的解析を行います。

ATAC-Seq(Assay for Transposase-Accessible Chromatin Sequencing)は、従来のDNase-Seq法やFAIRE-Seq法と比較して少ない細胞数の解析に対応しており、安定した解析が可能です。

- ◆ Transposomeを利用したオープンクロマチン領域の網羅的解析
- ◆ ChIPのような抗体ごとのバリデーション作業は不要
- ◆ 必要に応じて検体バリデーションも可能
- ◆ エピジェネティクス研究のスクリーニングに最適



解析の流れ



解析例

2群(N=2で4検体)の培養細胞をご提供いただき、 情報解析まで一貫した作業を実施した場合

ATAC-Seq 参考価格: 100万円~(税別) Tissue ATAC-Seq 参考価格: 112万円~(税別)

※1群あたりN≥2検体を推奨いたします。

納品物

- 作業報告書
- シーケンスデーター式
- ピークコール・アノテーション結果
- Viewer閲覧用ファイル

※Motif解析は別途オプションとなります。

<ピークコール・アノテーション結果>

情報解析		e	ae l	Ę	ō	pu	ti		Dists	Pos	<u> </u>		75	1.2	ΞŲ
	ne ID	e Name	Chromosome	e Start	e End	Strand	valCount	Intervals	Start Start		ntol_nepf	ntol_rep2::1	reated_repf Present	eated_rep2::1 Present	intol_repl: AvgPeak
	ලී	Gen	Chro	g.	Gene	Gene	Inten	Iri	Interval to St	Inter	Contol	Oont.	Treate	Treate	Contc
	GeneID:8406!	TMEM222	1	27,648,636	27,662,891	+	6	Contol_rep1	148, 20, 68, 19	in gene,	ir	1 1	1	1	15.000
+A+=*L-A+2	GeneID:6449		1	27,650,365					−1 581, −1 709,			1 1	1	1	19.000
検体ごとのピーク検出を	GeneID:8495		1		27,680,423			!Treated_rep		in gene.		0 0	1	1	1.000
リスト形式で表示	GeneID:9064		1		27,693,337				1145, -215, 11			1 1	1_	1	2.000
	GeneID:8547		1		27,701,315				91 23, 7763, 91			1 1	1		12.000
	GeneID:3886 GeneID:2827		1		27,709,805				-9203, -9267,			1 1	1		16.000
	GeneID:2627 GeneID:1016		1		27,722,318 27,816,669				-144, -80, -11 29, -131, -206			1 1	1		10.500
	GeneID:7010		1	27,732,120					63199, 61071,			1 1	1		27.200
	Genero.2724	ATIDOT	T,	Contol_rept			ΤĬ	Rank Motif	00100, 01071,			% of % of Targets Backs	STD(B		
en myst per myst shewn't myst	- A.		Ce	ontol_rep1 3637	728 814	1	d_rep2	- 3 8	TĢĄŞTÇĄŢ			56.17% 6.41%	51.7hm	Fee 1/0-2100	/B1
Motif配列やベン図で				2767	2314	45	08	² AG	GAARTGAS	TC 1e-46	-1.061e+02	12.66% 3.23%	50.6bp (65.1b)	PU.1(ETS)/ /Homer(0.8 More Infor	
解釈をサポート	24 A.1			$\Lambda \Lambda$	30943	1		3 4	ÇÇATTG ZĞ	1e-27	-6.318e+01	9.42% 2.86%	53.8bp (66.8b)	MA0077.1 More Infor	SC ma
ment 1 - 2 mg/r ment 1 - 2 mg/r				982	714			' § Τ	JAIGFAA I	1e-23	-5.386e+01	18.02% 8.84%	52.0bp (65.0b)	MF0006.1 like subcla More Infor	bZ ss/ ma
proset 1 + 2 regis and clarent	10031440	I decap	L	1/2	603 Tere			s ÇA	GCCASACC	Ç ♠ 10-19	-4.428e+01	8.12% 2.85%	53.1bp (60.6b)	Klf4(Zf)/ml /Homer(0.8 More Infor	:S- 137 ma

受入サンプル

サンプル	サンプル量	サンプルの処理方法				
培養細胞	5×10 ⁴ ~1×10 ⁵ cells	細胞ペレットを5%DMSO存在下で緩慢凍結してください。 (凍結方法は別途ご連絡)				
		※固定化は不要 ※血球系の細胞も対応可能				
組織 20~50 mg		液体窒素で凍結後、−80℃で保存してください。				

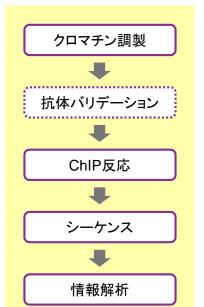
ChIP-Seq解析サービス



転写調節因子やヒストン修飾研究で利用されるクロマチン免疫沈降サンプルの網羅的解析を行います。 組織または細胞サンプルからChIP-Seqを行い、情報解析までを一貫して実施いたします。シーケンスでは、1検体あたり2,500万リード相当を取得し、MACSまたはSICERでピークコール、アノテーションを行って納品します。

- ◆ 煩雑で時間のかかるChIP反応を、経験豊富なActive Motif社で実施
- ◆ バリデーション済み抗体を多数ご用意。市販抗体のバリデーション作業も可能
- ◆ 抗メチル化シトシン抗体を用いたMeDIPにも対応
- ◆ Spike-in DNAを加えることで、ノーマライズ処理可能

解析の流れ



解析例

■ ヒストン修飾のChIP-Seq解析

input検体データを同時に取得し、ノイズピークを除去します。

抗体バリデーション無し 参考価格: 64万円~(税別) 抗体バリデーション有り 参考価格: 92万円~(税別)

• 転写因子のChIP-Seq解析

input検体データを同時に取得しノイズピークを除去します。

抗体バリデーション無し 参考価格: 70万円~(税別) 抗体バリデーション有り 参考価格: 98万円~(税別)

• MeDIP-Seg解析 または hMeDIP-Seg解析

抗(ヒドロキシ)メチル化シトシン抗体を使用して、ゲノムワイドなメチル化DNA

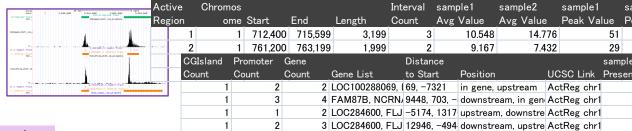
解析を実施します。

参考価格: 70万円~(税別)

納品物

- 作業報告書 シーケンスデーター式
- ピークコール・アノテーション結果
- Viewer閲覧用ファイル

<ピークコール・アノテーション結果>



受入サンプル

サンプル	サンプル量	サンプルの処理方法				
培養細胞	5×10 ⁶ ~2×10 ⁷ cells	指定の固定方法(別途ご連絡)で処理してください。 ※メチル化解析用の培養細胞は固定化不要(凍結後、-80℃保存)				
組織 (B細胞・T細胞を含む)	100∼200 mg	液体窒素で凍結後、−80°Cで保存してください。 ※FFPEサンプルも対応可能(詳細はご相談ください)				

[・]MeDIP-Seq用のサンプル量は、別途お問い合わせください。

※本チラシに記載された社名および製品名は、特に記載がなくても各社の商標または登録商標です。 2019年7月作成G

タカラバイオ株式会社

■ **受託サービスに関するお問い合わせ** 滋賀県草津市野路東七丁目4番38号 〒525-0058 TEL 077-565-6999

Website http://catalog.takara-bio.co.jp/jutaku/