

細菌叢・メタゲノム解析サービス

タカラバイオ(株)では、研究目的に応じた細菌叢・メタゲノム解析サービスをご提供しています。腸内、口腔内、環境サンプルの網羅的解析にご利用ください。単離した菌株の菌種の推定解析も承ります。

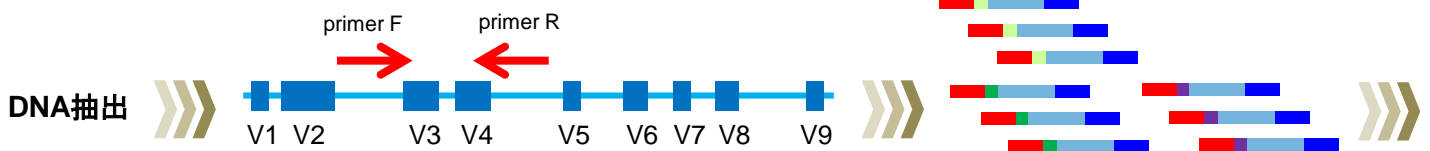


16S rRNA PCRサンプルの解析（細菌叢解析）

16S rRNA領域を増幅したPCR産物等を対象に、次世代シーケンサーを用いて大量に塩基配列を取得します。得られた配列を用いて16S rRNAデータベースに対する相同性検索および系統分類解析を実施し、対象サンプル中どのような微生物がどれくらい存在しているかをグラフィカルなデータで納品いたします。

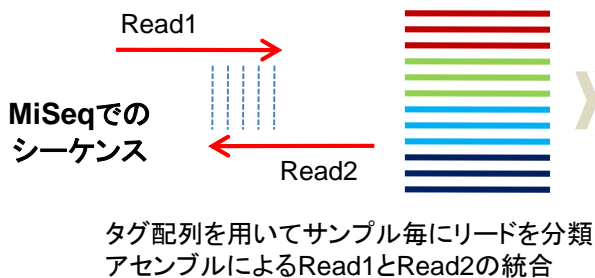
■ 解析の流れ

腸内細菌叢解析では、ヒト・マウス糞便のDNA抽出から対応可能です

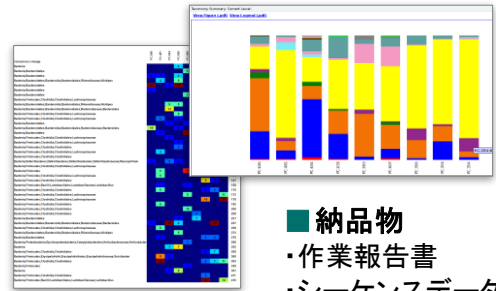


16S rRNA領域の増幅
V3-V4領域を増幅して解析を行います

ライブラリー作製・混合
一度に複数サンプルを混合可能



情報解析
クラスタリング
代表配列抽出
Blast検索
系統分類など



■ 納品物

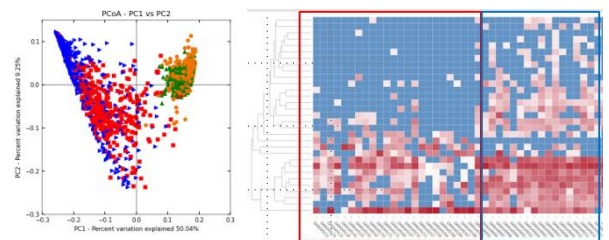
- ・作業報告書
- ・シーケンスデータ一式
- ・相同性検索結果等

■ 菌叢比較解析（オプション）

検体間の菌叢の違いを、主成分分析およびクラスター解析により解析します。検体間の比較結果を視覚的にとらえることができます。対照群、比較群など指定のグループ毎の比較も可能です。

■ メタゲノム機能予測解析（オプション）

菌叢データからメタゲノム機能組成を予測します。検体ごとの機能組成データを納品いたします。



微生物推定解析

単離された菌体から調製したDNAを用いて、サンガー法シーケンサーによる微生物種の推定解析を行います。細菌の16S rRNA領域または真菌のITS1領域をPCRで増幅し、シーケンスを行い、相同性検索結果より菌種を推定します。推定された菌種の上位リスト(50位)を納品いたします。

サービス項目	領域長
16S rRNA配列解析（細菌）	約500塩基
	約1,500塩基
ITS1 配列解析（真菌）	約300塩基

■ 納品物

- ・作業報告書
- ・シーケンスデータ一式
- ・相同性検索結果

WEB納品も可能です。

■ 納期

約2週間～

