

WEB会員登録で利用可能！

Online Order Site

次世代シーケンス(NGS)解析受託サービス オンライン注文限定 キャンペーン

that's
GOOD
science!

キャンペーン期間：～2022年9月30日(金) ご依頼分まで




- ✓ WEB会員登録で多くのメニューを楽々注文
- ✓ スムーズな依頼手続き
- ✓ オンライン注文限定短納期サービスを利用可能

タカラバイオ オンライン注文

検索

■ 最短2週間！短納期サービス

短納期サービスを特別価格でご提供いたします。NovaSeq 6000を用いて150 base長ペアエンドシーケンス解析を実施し、最短2週間で納品します。解析スケジュールはカレンダーをご参照ください。

メニュー	作業仕様	データ量 (目安)	解析 検体数	キャンペーン価格 (税別)	作業納期
ヒト・マウス限定 RNA-Seq解析 	【提供物】 ・total RNA 50 ng以上／検体 (25 µl以上) 【作業内容】 ・ライブラリー作製 (mRNA対象) ・NovaSeq 6000シーケンス ・既知遺伝子発現解析	4,000万リード ／検体	5～48	¥40,000 ／検体	最短2週間 ※クラウドデータマイニング ご依頼時は +2週間 解析スケジュール はこちら▼ 
	【オプション】 クラウドデータマイニング解析 (Expression Miner 2.0) ※上記RNA-Seq解析キャンペーンと同時に依頼 いただいた場合のみキャンペーン価格適用となります。 ※n=1の比較には対応していません。	—	—	¥80,000 ／件	
ライブラリー受入 シーケンス解析 	【提供物】 混合済みライブラリー (1～16インデックス混合可能) 濃度：10 nM以上 (20 µl以上) 【作業内容】 ・ライブラリー品質検定 ・NovaSeq 6000シーケンス 1/6レーン	100 Gbase または 6.6億リード	最大 16イン デックス	¥200,000	


※核酸抽出をご希望の場合は、別途費用・納期が発生いたします。
 ※記載検体数以上のご依頼の場合は、価格相談に応じますので別途お問い合わせください。

クラウドデータマイニング解析
(Expression Miner 2.0) 操作例
をご覧ください。➡



■ de novoゲノム解析 (PacBioロングリードシーケンス)

ロングリードシーケンサーSequel IIを用いてシーケンスデータを取得し、アセンブルにより非モデル生物のゲノム配列を構築します。

メニュー	作業仕様	データ量 (目安)	解析 検体数	キャンペーン価格 (税別)	作業納期
de novo ゲノム解析 	【提供物】 ・ゲノムDNA 30 µg以上／検体 (100 ng/µl以上) 【作業内容】 ・ゲノムDNA品質検定 ・ライブラリー作製 (HiFi) ・Sequel IIシーケンス ・アセンブル	1 Gb／検体 ※ゲノムサイズ 20 Mb以下の生 物の解析を想定 しています。	1～8	¥230,000 ／検体	約4カ月

※核酸抽出をご希望の場合は、別途費用・納期が発生いたします。 ※ご依頼状況に応じて追加納期をいただく場合がございます。

ATAC-Seq解析サービス キャンペーン



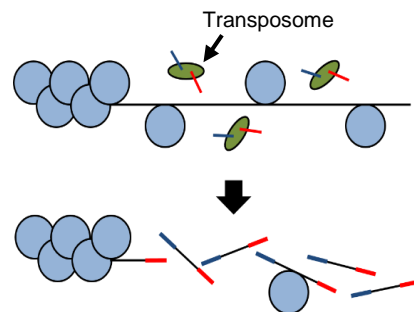
キャンペーン期間：～2022年9月30日(金) ご依頼分まで

オープンクロマチン領域の網羅的解析を**特別価格**でご提供いたします。

ATAC-Seq(Assay for Transposase-Accessible Chromatin Sequencing)は、従来のDNase-Seq法やFAIRE-Seq法と比較して少ない細胞数の解析に対応しており、安定した解析が可能です。

この機会にぜひご利用ください。

- ✓ Transposomeを利用したオープンクロマチン領域の網羅的解析
- ✓ ChIPのような抗体選択は不要
- ✓ 経験と実績が豊富なActive Motif社による作業
- ✓ エピジェネティクス研究のスクリーニングに最適



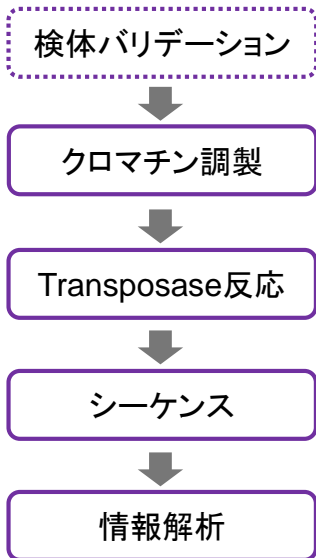
キャンペーン価格

※通常価格の25%OFF

- ◆ ATAC-Seq **¥187,500** / 検体
- ◆ Tissue ATAC-Seq **¥210,000** / 検体
- ◆ ATAC-Seq Sample Validation **¥135,000** / 件

※1群あたりN \geq 2検体を推奨いたします。
 ※2検体以上からの受付となります。
 ※サンプル種によって事前検討(Sample Validation)からの実施となります。

解析の流れ



納品物

- 作業報告書
- シーケンスデータ一式
- ピークコール・アノテーション結果
- Viewer閲覧用ファイル

※Motif解析は別途オプションとなります。

ATAC-Seq解析サービスの
詳細はこちら →



検体ごとのピーク検出を
リスト形式で表示

<納品物例>

Gene ID	Gene Name	Chromosome	Gene Start	Gene End	Gene Strand	IntervalCount	Intervals	Interval Dists to Start	Interval Pos	Control_rep1 :1 Present	Control_rep2 :1 Present	Treated_rep1 :1 Present	Treated_rep2 :1 Present	Control_rep1 :1 AvgPeak
GeneID:84061TMM222		1	27,648,636	27,662,891	+	6	Control_rep1	148, 20, 68, 19	in gene, in	1	1	1	1	15.000
GeneID:64491LOC644961		1	27,650,365	27,653,016	+	4	Control_rep1	-1581, -1709	:upstream,	1	1	1	1	19.000
GeneID:84951SYTL1		1	27,668,483	27,680,423	+	2	Treated_rep1	93, -281	in gene, u	0	0	1	1	11.000
GeneID:9064 MAP3K6		1	27,681,670	27,693,337	-	4	Control_rep1	1145, -215, 11	in gene, u	1	1	1	1	12.000
GeneID:8547 FCN3		1	27,695,601	27,701,315	-	4	Control_rep1	9123, 7763, 91	:downstrea	1	1	1	1	12.000
GeneID:3886 CD164L2		1	27,705,596	27,709,805	-	4	Control_rep1	-9203, -9267	:upstream,	1	1	1	1	16.000
GeneID:2827 GPR3		1	27,719,152	27,722,318	+	4	Control_rep1	-144, -80, -11	:upstream,	1	1	1	1	16.000
GeneID:1016 WASF2		1	27,732,126	27,816,669	-	5	Control_rep1	29, -131, -206	in gene, u	1	1	1	1	10.500
GeneID:2724 AHDC1		1	27,860,756	27,930,143	-	15	Control_rep1	63199, 61071,	in gene, ir	1	1	1	1	27.200

ご興味をお持ちの方は、弊社ウェブサイトのオンラインお問い合わせフォームからご連絡ください。

<https://www.takara-bio.co.jp/research/support/jutaku/index.php>

※本チラシに記載されている会社名および商品名などは、各社の商号、または登録済みもしくは未登録の商標であり、これらは各所有者に帰属します。
 ※本チラシ記載の価格は2022年7月12日現在の希望小売価格です。価格に消費税は含まれておりません。

2022年7月作成G

タカラバイオ株式会社

■ 受託サービスに関するお問い合わせ
 滋賀県草津市野路東七丁目4番38号 〒525-0058
 TEL 077-565-6999

Website <https://catalog.takara-bio.co.jp/jutaku/>



取扱店