CronoSTAR[™] 96 Real-Time PCR Systemシリーズ

新型コロナウイルス(SARS-CoV-2)変異検出検査のための操作マニュアル -SARS-CoV-2 (N501Y/E484K) Direct Detection RT-qPCR Kit(製品コードRC340A)専用-

このマニュアルでは、SARS-CoV-2 (N501Y/E484K) Direct Detection RT-qPCR Kit (製品コード RC340A)を用いてリアルタイムPCRを実施する際の操作方法を説明します。実験操作に関しては、 本キットの取扱説明書に従ってください。

また、本装置は研究用機器であり、医薬品医療機器等法に定められる医療機器ではありません。

CronoSTAR 96 リアルタイムPCR装置とソフトウェアの起動

- 1. リアルタイムPCR装置本体の電源をONにする。
- 2. コンピューターの電源をONにする。
- 3. CronoSTAR 96ソフトウェアを起動する。

ランファイルの作成とランの開始

1. New Experimentをクリックし名前を入力してランファイルを作成する。

User Name: user Switch User	New Experiment
Quick Start Recent Files	任意で変更可能
>>New Experiment >>New Experiment From Existing Experiment >>Open Data File	Experiment Name user 20210415083551 文更不可
>>Instrument Management Default Instrument: CronoSTAR 96-6ch-#10	New Cancel

2. Run Settingタブの[+]を押し[Reverse Transcription],[2 Step Amplification],[Cooling]を追加する。



2.1. [Reverse Transcription]の設定

2.1.1. Step1は、52℃、5分、Ramp 6.1℃/sの設定にする。
2.1.2. Step2は、95℃、10秒、Ramp 6.1℃/sの設定にする。

2.2. [2 Step Amplification]の設定

2.2.1. Step1は、95℃、5秒、Ramp 6.1℃/sの設定にする。
2.2.2. Step2は、58℃、30秒、Ramp 6.1℃/sの設定にする。
2.2.3. サイクル数を×40から×45に変更する。

2.3. [Cooling]の設定

2.3.1 Step1は、35℃、30秒、Ramp 6.1℃/sの設定にする。



3. ExperimentのTube Type [Clear]、Reaction Volume [30µL]、Lid Heating[105℃]に設定する。

Experiment	
Tube Type:	Clear 🗸
Reaction Volume:	30 🔺 µL
Lid Heating:	105 📫 ℃ 📝 Open

※ 他のランファイルからの設定を読み込む場合

User Name: user Switch User	X	New Experiment
Quick Start Recent Files		任意で変更可能
>>New Experiment >>New Experiment From Existing Experiment >>Open Data File		Experiment Name user 20210415083551 変更不可
>>Instrument Management Default Instrument: CronoSTAR 96-6ch-#10		New Cancel

以前と同じPCR条件でランを行う場合には、New Experiment From Existing Experimentを クリックし参照したいファイルを選択、名前を入力してランファイルを作成する。

4. Sample Setting タブでサンプルの情報を入力する(後で入力可)。

11	12 ^		Property
			Sample: PC V
			Sample Type: Positive 🔻
RC.			Dye: Gene:
N501Y N1N2			✓ FAM ▼ N501Y ▼
E484K			✓ HEX ▼ N1N2
			Texas Red V
NC N501Y N1N2			✔ Cy5 ▼ E 484K ▼
E484K			Alexa Fluor 680 V
			🗌 Tamra 🛛 🔻
Sample N501Y N1N2			Standard Setting:
E484K			Dye:
		I	Standard Conc.:

- ※ 自動解析の機能を有効に活用するため、陰性コントロール、陽性コントロール、検査対象サン プルのすべてのサンプルでFAM、HEX、Cy5の「Gene」の名称をそれぞれ共通のものに必ず設 定してください。
- ※ コントロールキーを押しながら複数のウェルを選択することで、複数ウェルで共通の項目を同時に選択/入力することが可能です。
- 5. 装置にサンプルをセットする。



6. Run MonitoringタブのRunをクリックしてランを開始する

<u>結果の解析</u>

1. Analysisタブで測定結果を確認する。



2. Analysis settingボタンを押すとウインドウが表示される。



3. Analysis settingウインドウのBaseline Gain Calibrationのチェックを外す。

Amplification P	101	Gene and Sample								
Analysis Mode: 🔲 Reference Dye 🔲 Baseline Gain Calibration 🔲 Reverse Curve 🔲 Isothermal										
Baseline		All Selected Rows	Start Cy	/cle:	4	End Cycle:	* *			Restore
		-					- · ·	· -		

4. [OK]をクリックし「Analysis Setting」のウィンドウを閉じる。

5. Amplification CurveおよびRaw Curve画面でFAM、HEX、Cy5の増幅曲線を表示する。 自動判定では曲線が見られなくとも陽性と判断される場合があるのでRaw Curveで必ず増幅曲 線、曲線の立ち上がりについてコントロールと比較して確認する。

結果の判定方法(詳細はキットの説明書を参照)

【コントロール反応の判定】

結果が以下の条件を満たすことを確認する。条件を満たさない場合は再測定を推奨する。

	FAM	Cy5	HEX
	(N501Y)	(E484K)	(N 遺伝子)
Negative Control	不検出	不検出	不検出
N1/N2 Template	不検出	不検出	Ct≦30
N501Y Template	Ct≦30	不検出	不検出
E484K Template	不検出	Ct≦30	不検出

Negative Controlは、Ct値が不検出であることを確認する。
 Ct値が算出された場合には、「補足②」に従いCt値算出の原因を確認する。また、Ct値算出の原因としてコンタミネーションの疑いがある場合は、反応液の調製場所や器具類を除染したうえで再反応を行う。

- ・陽性コントロールにて、N1/N2 TemplateではHEXで、N501Y TemplateではFAMで、E484K
 TemplateではCy5でCt値が検出され、他のフィルターでは検出されないことを各増幅曲線にて確認する。
- ・ 正しい波長でCt値が検出されない場合は、何らかの原因でリアルタイムRT-PCRが正常に行われて いない。再反応を行う。

下図はN1/N2 Template (HEX)を鋳型として使用した場合の例

FAM(N501Y Template)とCy5(E484K Template)についても同様の方法で確認する。



【サンプルの測定結果の判定】

FAM	Cy5	HEX 判定結果				
(N501Y)	(E484K)	(N 遺伝子)	N501Y	E484K		
_	—	+	なし	なし		
+	—	+/-	あり	なし		
_	+	+/-	なし	あり		
+	+	+/-	あり	あり		
_	_	_	判定	不能		

算出された Ct 値を用いて以下の判定表に従って陽性/陰性を判定する。

・ 「+」は Ct≦40、「−」は Ct>40 または不検出であることを示す。

・ すべての検出系が Ct>40 または不検出であった場合は判定不能となり、SARS-CoV-2 のコピー数 が検出限界以下である可能性がある。

測定結果例(Analysis画面の増幅曲線)

N501Yの変異あり/E484Kの変異なし







<u>解析結果の出力</u>

1. Result Table 画面の Export Excel をクリックして名前を付けて保存する。

Resul	t Statist	ics						Re	sult Table	•
Well	Sample ID	Sample	Sample Type	Dye	Gene	Ct	Concentration	Concentration Uni	t Standard Conc.	Referen
A7			Positive	FAM	N501Y	-	-	IU/ml	-	
A7			Positive	HEX	N1N2	28.027	-	IU/ml	-	
A7			Positive	Cy5		-	-	IU/ml	-	
H7		NC	Negative	FAM	N501Y	-	-	IU/ml	-	
H7		NC	Negative	HEX	N1N2	-	-	IU/ml	-	
H7		NC	Negative	Cy5		-	-	IU/ml	-	
A8			Positive	FAM	N501Y	29.230	-	IU/ml	-	
A8			Positive	HEX	N1N2	28.059	-	IU/ml	-	
A8			Positive	Cy5		-	-	IU/ml	-	

- ソフトウェアと装置の終了
- 1. ソフトウェアを終了させる。
- 2. コンピューターを終了させて電源を切る。
- 3. 本体画面上でシャットダウンを押す。
- 4. 本体の電源を切る。

【補足①】前処理(核酸の簡易抽出)をリアルタイム PCR 装置で実施する場合

1. New Experimentをクリックし名前を入力してランファイルを作成する。

- 2. Run Settingタブの[+]を押し[Initial Denaturation],[Cooling]を追加する。
- 3. Initial Denaturation Step1は、95°C、5分、Ramp 6.1°C/sの設定にする。
- 4. Cooling Step1は、4℃、30秒、Ramp 6.1℃/sの設定にする。



- 5. 装置にサンプルをセットする。
- 6. Start ボタンを押しランを開始する。

【補足②】判定の際の注意

本機器はRunが終了すると、自動解析によりベースライン補正を行います。サイクル初期は蛍光値が 揺らぎやすく、自動解析によりこの区間がベースライン範囲に指定されてしまうと、不適切な補正に より増幅していない反応があたかも増幅したような曲線に補正されCt値が算出される場合がありま す。

そのため、判定の際には、以下の手順にしたがって、上述の自動補正による影響の有無を必ずご確認 ください。



Amplification Curve の結果

サイクル初期で Ct 値が算出されている事例。Raw Curve でも増幅が見られるか確認する。



Raw Curve の結果

サイクル初期 **10** サイクル目くらいまでは蛍光値が揺らぎやすいため、どの区間をベースライン範囲 として認識しているか確認する。

ベースラインの確認と変更方法



①Analysis Setting アイコンをクリックする。

②Analysis Setting の変更したい Well と Manual Baseline を選択する。

③Start Cycle と End Cycle の数値を変更して OK をクリックする。



ベースラインの変更後

End Cycle を4から10に変更するとCt値が算出されなくなる。